

SEQUENCE LISTING

<110>	HUSSEY, Nicole Dominique et al.	
<120>	COMPARATIVE GENOMIC HYBRIDIZATION	
<130>	0641-0273PUS1	
<140> <141>	US 10/551,150 2005-09-29	
	PCT/AU04/000429 2004-04-02	
<160>	25	
<170>	PatentIn version 3.3	
<210><211><211><212><213>		
<220> <223>	DOP .	
<222>	misc_feature (11)(16) n is a, c, g, or t	
<400> ccgact	1 cgag nnnnnnatgt gg	22
<210><211><211><212><213>	24	
<220> <223>	primer sequence	
<400> tgaaat	2 aatg gagatgcaat gttc	24
	24	
<220> <223>	primer sequence	
<400>	3	

gcacagattc tgagtaacca taat 24			
<210><211><211><212><213>	23		
<220> <223>	primer sequence		
<400> caactg	4 tggt aaagcaatag tgt	23	
<210><211><211><212><212><213>	24		
<220> <223>	primer sequence		
<400> taccaa	5 atct ggatactata ccat	24	
<210><211><211><212><213>	17		
<220> <223>	primer sequence		
<400> atgtgg	6 gcga tcctatt	17	
<210><211><211><212><213>			
<220> <223>	primer sequence		
<400> ttgaca	7 agcc caaagtt	17	
<210> <211> <212> <213>	21 DNA		
<220>			

<223>	primer sequence	
<400>	8	
tgagtc	gttt agagggcttc c	21
<210>	9	
<211>	18	
<212>		
<213>	Artificial Sequence	
<220>		
	primer sequence	
	9	18
aalCla	cggg ccacgcat	Τ.
<210>	10	
<211>		
<212>		
	Artificial Sequence	
<220>		
<223>	primer sequence	
	10	
tcctag	ggat taggccttca gta	23
<210>		
<211>		
<212>		
<213>	Artificial Sequence	
<220>		
<223>	primer sequence	
<400>	11	
	agca tgagagatcc tg	22
-		
<210>	12	
<211>	21	
<212>	NA	
<213>	Artificial Sequence	
<220>		
<223>	primer sequence	
<400>	12	
	taaa tgaggccgag g	21
,,		
<210>	13	
<211>	19	
<212>		

<213>	Artificial Sequence	
<220> <223>	primer sequence	
<400>		
	tgtg ggccagtct	19
<210> <211>		
<212>		
<213>	Artificial Sequence	
<220>		
<223>	primer sequence	
<400>		00
tttttg	acaa tagccattcc ag	22
<210>	15	
<211>		
<212>		
<213>	Artificial Sequence	
<220>		
<223>	primer sequence	
<400>		
accaac	attt tcatactaag ataggg	26
<210>	16	
<211>		
<212>		
<213>	Artificial Sequence	
<220>		
<223>	primer sequence	
<400>		•
ttacaa	ttga gaaacggctc ctg	23
<210>	17	
<211>		
<212>	DNA	
<213>	Artificial Sequence	
<220>		
<223>	primer sequence	
<400>		
tggagg	catc acactacctg ac	22

<220> <223>	> > primer sequence	
<400> catct	> 18 cccag gttcaagtga ttc	
<210>	> 19	
<211>		
	> DNA	
<213>	> Artificial Sequence	
<220>	>	
<223	> primer sequence	
<400>	> 19	
	caccaa cattetecat tetg	
<210>	> 20	
	> 22	
<212	> DNA	
<213	> Artificial Sequence	
<220>	>	
	> primer sequence	
<400>	> 20	
	cactca gaggactgga cc	
<210>	> 21	
<211>		
<212>		
<213>	> Artificial Sequence	
<220>	>	
<223>	> primer sequence	
<400>	> 21	
	acctat ctcctgttca tgtg	
55.4-	. 5 5 - 9	
<210>	> 22	
<2112		
	> DNA	
	> Artificial Sequence	
<220>	,	
	primer sequence	
<400>	> 22	

ctcgga	ctcc tgacatcaag tg	22
<210><211><212><213>	22	
<220> <223>	primer sequence	
<400> gaaacc	23 gtgc atctaacacc ag	22
<210><211><212><212><213>	22	
<220> <223>	primer sequence	
<400> gctcag	24 agtc atggtttcca gc	22
<210><211><211><212><213>	23	
<220> <223>	primer sequence	
<400> gctgca	25 taaa gtgtcacaga gcc	23